

Aminoacid sequence alignment for Figure 3, panel A

Sequence Header:

Patient ID Unique Sequence Identifier H-CDR3 IGHV Subset(s) in which sequence was found Number of identical sequences

Aminoacid sequence alignment for Figure 3, panel B

CDR1

CDR2

CDR3

Aminoacid sequence alignment for Figure 3, panel F

	CDR1	CDR2	CDR3
Consensus	S G G S I S G Y Y W N W I R L A P G K G L E W I G Y L S Y N S N T Y Y N P S L R S R A S I S + D T S K N Q V S L K L R S A S A A D T A V Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y S Y N S G M D V W		
G.L	S G G S I S S Y Y W S W I R Q P P G K G L E W I G Y I Y Y S G S T N Y N P S L K S R V T I S V D T S K N Q F S L K L S S V T A A D T A V Y Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y S Y Y Y G M D V W		
43213_IBP32IW02JA9_CAREYSRKEGGRWRVPKTGRYSNSGMDVW_IGHV4-59/61_SWITCHED-G_2	S G G S I S G Y Y W N W I R L A P G K G L E W I G Y L S Y N S N T Y Y N P S L R S R A S I S D T S K N Q V S L K L R S A S A A D T A M Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y S Y N S G M D V W		
43213_IBP32IW02HDN5_CAREYSRKEGGRWRVPKTGRYSNSGMDVW_IGHV4-59/61_SWITCHED-G_8	S G G S I S G Y Y W N W I R L A P G K G L E W I G Y L S Y N S N T Y Y N P S L R S R A S I S L D T S K N Q V S L K L R S A S A A D T A M Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y S Y N S G M D V W		
43213_IBP32IW02F7713_CAREYSRKEGGRWRVPKTGRYSNSGMDVW_IGHV4-59/61_SWITCHED-G_4	S G G S I S G Y Y W N W I R L A P G K G L E W I G Y L S Y N S N T Y Y N P S L R S R A S I S L D T S K N Q V S L K L R S A S A A D T A V Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y S Y N S G M D V W		
43213_IBP32IW01BB8IR_CAREYSRKEGGRWRVPKTGRYYNSGMDVW_IGHV4-59/61_CSF-G_4	S G G S I S G Y Y W N W I R L A P G K G L E W I G Y L S Y N S N T Y Y N P S L R S R A S I S V D T S K N Q V S L K L S S S S A A D T A V Y F C A R E Y S R K E G G R W R V P K T G R Y Y Y N S G M D V W		

Sequence Header:

Patient ID_Unde Sequence Identifier_H-CDR3_IGHV_Subset(s) in which sequence was found_Number of identical sequences